

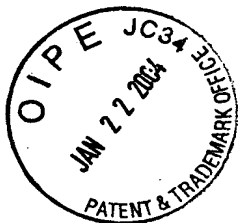


Neutrokin- $\alpha$

1 AAATTCAGGATAACTCTCCTGAGGGGTGAGCCAAGCCCTGCCATGTAGTGCACGCAGGAC 60  
61 ATCAACAAACACAGATAACAGGAAATGATCCATTCCCTGTGGTCACTTATTCTAAAGGCC 120  
121 CCAACCTTCAAAGTTCAAGTAGTGATATGGATGACTCCACAGAAAGGGAGCAGTCACGCC 180  
1 M D D S T E R E Q S R L 12  
181 TTA CT TCT TGC CTTAAGAAAAGAGAAGAAATGAAACTGAAGGAGTGTGTTTCCATCCTCC 240  
13 T S C L K K R E E M K L K E C V S I L P 32  
CD-I  
241 CACGGAAGGAAAGCCCTCTGTCCGATCCTCAAAGACGGAAAGCTGCTGGCTGCAACCT 300  
33 R K E S P S V R S S K D G K L L A A T L 52  
CD-I  
301 TGCTGCTGGCACTGCTGTCTTGCTGCCTCACGGTGGTGTCTTTCTACCAGGTGGCCGCC 360  
53 L L A L L S C C L T V V S F Y Q V A A L 72  
361 TGCAAGGGGACCTGGCCAGCCTCCGGGCAGAGCTGCAGGGCCACCACGCGGAGAAGCTGC 420  
73 Q G D L A S L R A E L Q G H H A E K L P 92  
CD-II  
421 CAGCAGGAGCAGGAGCCCCAAGGCCGGCCTGGAGGAAGCTCCAGCTGTCACCGCGGGAC 480  
93 A G A G A P K A G L E E A P A V T A G L 112  
CD-III  
#  
481 TGAAAATCTTTGAACCACCAGCTCCAGGAGAAGGCAACTCCAGTCAGAACAGCAGAAATA 540  
113 K I F E P P A P G E G N S S Q N S R N K 132  
541 AGCGTGCCGTTTCAGGGTCCAGAAGAAACAGTCAAGACTGCTTGCAACTGATTGCAG 600  
133 R A V Q G P E E T V T Q D C L Q L I A D 152  
CD-IV

FIG.1A

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



Neutrokin- $\alpha$

601 ACAGTGAAACACCAACTATACAAAAAGGATCTTACACATTTGTTCCATGGCTTCTCAGCT 660  
153 S E T P T I Q K G S Y T F V P W L L S F 172  
CD-V

661 TTAAAAGGGGAAGTGCCCTAGAAGAAAAAGAGAATAAAATATTGGTCAAAGAACTGGTT 720  
173 K R G S A L E E K E N K I L V K E T G Y 192  
CD-V CD-VI

721 ACTTTTTTATATATGGTCAGGTTTTATATACTGATAAGACCTACGCCATGGGACATCTAA 780  
193 F F I Y G Q V L Y T D K T Y A M G H L I 212  
CD-VI CD-VII

781 TTCAGAGGAAGAAGGTCCATGTCTTTGGGGATGAATTGAGTCTGGTGACTTTGTTTCGAT 840  
213 Q R K K V H V F G D E L S L V T L F R C 232  
CD-VII CD-VIII

#  
841 GTATTCAAATATGCCTGAAACACTACCCAATAATTCCTGCTATTTCAGCTGGCATTGCAA 900  
233 I Q N M P E T L P N N S C Y S A G I A K 252  
CD-VIII CD-IX

901 AACTGGAAGAAGGAGATGAACTCCAACCTTGCAATACCAAGAGAAAATGCACAAATATCAC 960  
253 L E E G D E L Q L A I P R E N A Q I S L 272  
CD-X

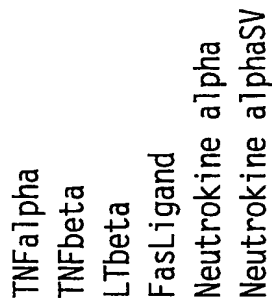
961 TGGATGGAGATGTCACATTTTTTGGTGCATTGAAACTGCTGTGACCTACTTACACCATGT 1020  
273 D G D V T F F G A L K L L 285  
CD-XI

1021 CTGTAGCTATTTTCCTCCCTTTCTCTGTACCTCTAAGAAGAAAGAATCTAACTGAAAATA 1080

1081 CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA 1100

FIG.1B

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



	10	20	30
1	MSTESMIRDVEL	- - - - -	- - - AEEA
1	- - - - -	- - - - -	- - - TPPERL
1	MG A - - - -	- - - - -	- - - - -
1	MQQPFFNYPY PQIYW	- VDSSASSPW	- APPGTV
1	MDDSTEREQSRL	TSCCLKKREEMKL	KEC VSI
1	MDDSTEREQSRL	TSCCLKKREEMKL	KEC VSI

TNFalpha  
TNFbeta  
LTbeta  
FasLigand  
Neutrokinine alpha  
Neutrokinine alphaSV

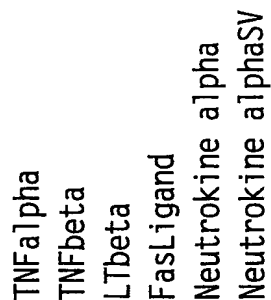
[illegible]

TNFalpha  
TNFbeta  
LTbeta  
FasLigand  
Neutrokine alpha  
Neutrokine alphaSV

	70	80	90
30	-	-	-
33	-	-	-
34	-	-	-
35	-	-	-
36	-	-	-
37	-	-	-
38	-	-	-
39	-	-	-
40	-	-	-
41	-	-	-
42	-	-	-
43	-	-	-
44	-	-	-
45	-	-	-
46	-	-	-
47	-	-	-
48	-	-	-
49	-	-	-
50	-	-	-
51	-	-	-
52	-	-	-
53	-	-	-
54	-	-	-
55	-	-	-
56	-	-	-
57	-	-	-
58	-	-	-
59	-	-	-
60	-	-	-
61	-	-	-
62	-	-	-
63	-	-	-
64	-	-	-
65	-	-	-
66	-	-	-
67	-	-	-
68	-	-	-
69	-	-	-
70	-	-	-
71	-	-	-
72	-	-	-
73	-	-	-
74	-	-	-
75	-	-	-
76	-	-	-
77	-	-	-
78	-	-	-
79	-	-	-
80	-	-	-
81	-	-	-
82	-	-	-
83	-	-	-
84	-	-	-
85	-	-	-
86	-	-	-
87	-	-	-
88	-	-	-
89	-	-	-
90	-	-	-

**FIG. 2A**

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



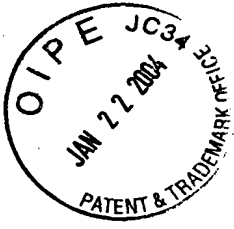
	100										110										120										
38	F	L	-	-	I	V	A	G	A	T	T	L	F	C	L	L	H	F	G	V	I	G	P	Q	R	E	E	F	F	P	R
31	G	A	Q	Q	L	P	G	V	G	L	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
32	L	L	L	A	V	P	I	T	V	L	A	V	L	A	L	V	P	Q	D	Q	G	G	L	V	T	E	T	A	D	P	P
90	V	L	V	A	L	V	G	L	G	L	G	M	F	Q	L	F	H	L	Q	K	E	L	A	E	L	R	E	S	T	S	S
88	A	E	K	L	P	A	G	A	G	A	P	K	A	G	L	E	E	E	A	P	A	V	T	A	G	L	K	I	F	E	P
88	A	E	K	L	P	A	G	A	G	A	P	K	A	G	L	E	E	E	A	P	A	V	T	A	G	L	K	I	F	E	P

	130										140										150									
66	D	L	S	L	I	S	-	P	L	A	-	Q	A	V	R	S	S	R	T	P	S	D	-	-	-	K	P	V	A	
41	-	-	-	T	P	S	-	A	A	Q	-	T	A	R	Q	H	P	K	M	H	L	A	H	S	T	L	K	P	A	A
62	G	A	Q	A	Q	Q	-	G	L	G	F	Q	K	L	P	E	E	E	P	E	T	D	L	S	P	G	L	P	A	A
120	Q	M	H	T	A	S	-	S	L	E	-	K	Q	I	G	H	P	S	P	P	P	E	K	K	E	L	R	K	V	A
118	P	A	P	G	E	G	N	S	S	Q	N	S	R	N	K	R	A	V	Q	G	P	E	E	T	V	T	Q	D	C	L
118	P	A	P	G	E	G	N	S	S	Q	N	S	R	N	K	R	A	V	Q	G	P	E	E	T	-	-	-	-	-	-

[illegible]

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1800/2900

FIG. 2B



114	A	N	G	V	E	L	R	D	N	-	Q	L	V	V	P	S	E	G	L	Y	L	I	Y	S	Q	V	L	F	K	G
89	Q	D	G	F	S	L	S	N	N	-	S	L	L	V	P	T	S	G	I	Y	F	V	Y	S	Q	V	V	F	S	G
114	T	S	G	T	Q	F	S	D	A	E	G	L	A	L	P	Q	D	G	L	Y	Y	L	Y	C	L	V	G	Y	R	G
172	-	S	G	V	K	Y	K	K	G	-	G	L	V	I	N	E	T	G	L	Y	F	V	Y	S	K	V	Y	F	R	G
174	R	G	S	A	L	E	E	K	E	N	K	I	L	V	K	E	T	G	Y	F	F	I	Y	G	Q	V	L	Y	T	D
155	R	G	S	A	L	E	E	K	E	N	K	I	L	V	K	E	T	G	Y	F	F	I	Y	G	Q	V	L	Y	T	D

TNFalpha  
TNFbeta  
LTbeta  
FasLigand  
Neutrokine alpha  
Neutrokine alphaSV

143	Q	G	C	P	-	-	-	-	-	S	T	H	V	L	L	T	H	T	I	S	R	I	A	V	S	Y	Q	T	K	
118	K	A	Y	S	P	-	-	K	A	T	S	S	P	L	Y	L	A	H	E	V	Q	L	F	S	S	Q	Y	P	F	H
144	R	A	P	P	G	G	G	D	P	Q	G	R	S	V	T	L	R	S	S	L	Y	R	A	G	G	A	Y	G	P	G
200	Q	S	C	N	-	-	-	-	-	-	-	N	L	P	L	S	H	K	V	Y	M	R	N	S	K	V	P	Q	D	
204	K	T	Y	A	M	G	-	-	-	-	-	-	H	L	I	Q	R	K	K	V	H	V	F	G	D	E	L	S	-	
185	K	T	Y	A	M	G	-	-	-	-	-	-	H	L	I	Q	R	K	K	V	H	V	F	G	D	E	L	S	-	

TNFalpha  
TNFbeta  
LTbeta  
FasLigand  
Neutrokine alpha  
Neutrokine alphaSV

167	V	N	-	-	L	L	S	A	I	K	S	P	C	Q	R	E	T	P	E	-	-	G	A	E	A	K	P	W	Y	E
146	V	P	-	-	L	L	S	S	Q	K	M	V	Y	P	-	-	-	-	-	-	-	G	L	Q	E	P	W	L	H	
174	T	P	E	-	L	L	E	G	A	E	T	V	T	P	V	L	D	P	A	R	R	Q	G	Y	G	P	L	W	T	
222	L	V	-	-	M	M	E	G	K	M	M	S	Y	C	-	-	-	-	-	-	-	T	T	G	Q	M	W	A	R	
226	L	V	T	L	F	R	C	I	Q	N	M	P	E	T	L	P	N	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	N	
207	L	V	T	L	F	R	C	I	Q	N	M	P	E	T	L	P	N	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	N	

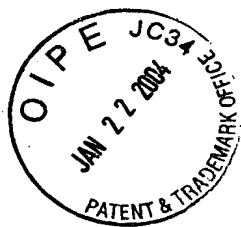
TNFalpha  
TNFbeta  
LTbeta  
FasLigand  
Neutrokine alpha  
Neutrokine alphaSV

FIG.2C

TECH CENTER 1600/2900

JAN 26 2004

RECEIVED



																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																					</
--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	----

FIG.2D

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900

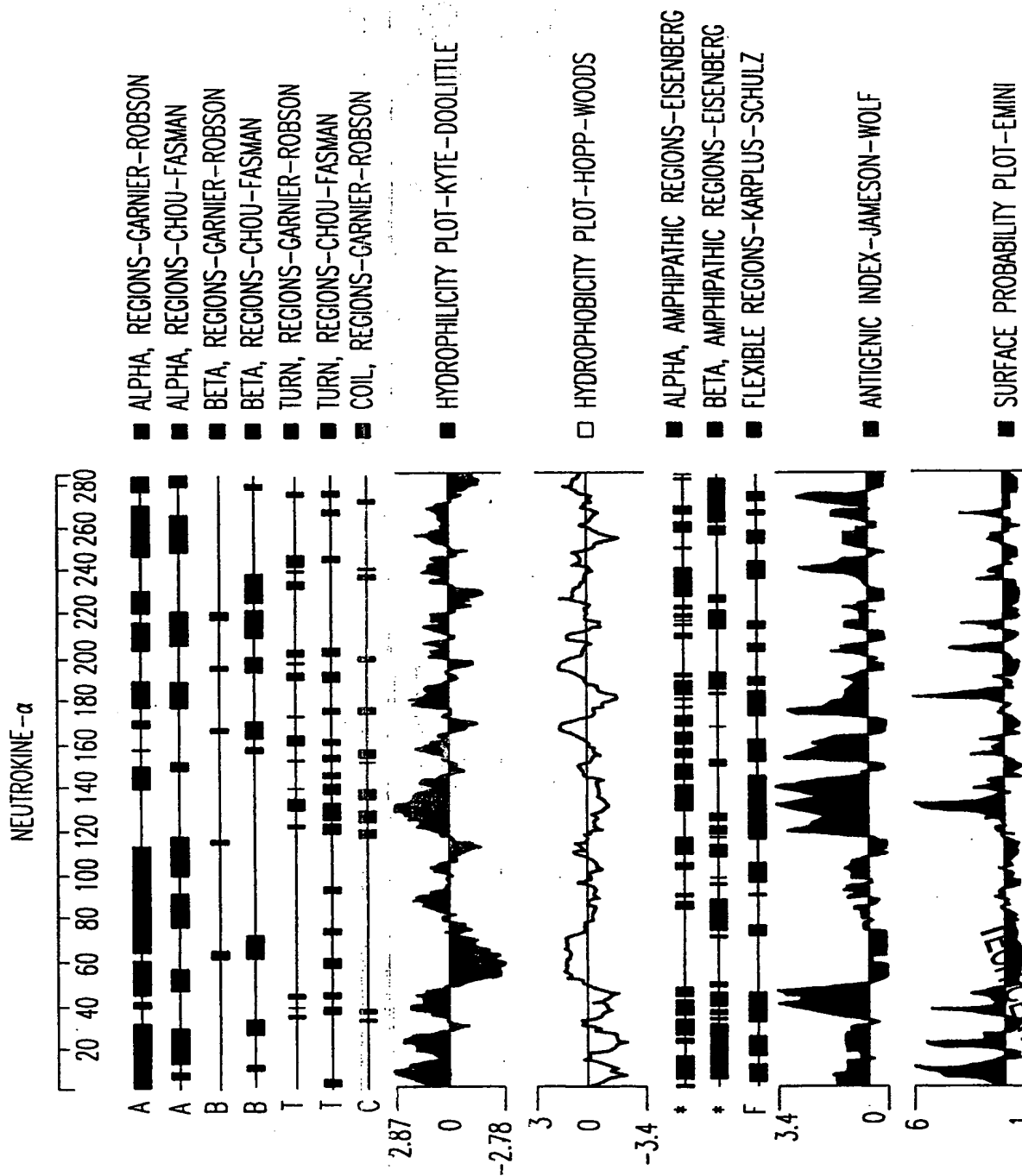
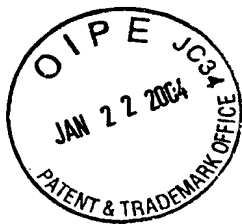


FIG.3

RECEIVED  
JAN 26 2004  
FBI CENTER 1800129900



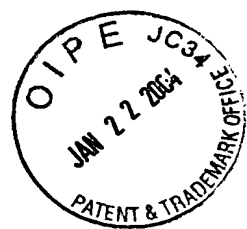
	1				50
HSOAD55R	.....A	GGNTAACTCT	CCTGAGGGGT	GAGCCAAGCC	CTGCCATGTA
HNEDU15X	...AAATTCA	GGATAACTCT	CCTGAGGGGT	GAGCCAAGCC	CTGCCATGTA
HSLAH84R	.AATTCGGCA	NAGNAACTG	GTTACTTTT	TATATATGGT	CAGGTTTTAT
HLTBM08R	AATTCGGCAC	GAGCAAGGCC	GGCCTGGAGG	AAGCTCCAGC	TGTCACCGCG
	51				100
HSOAD55R	GTGCACGCAG	GACATCANCA	A..ACACANN	NNNCAGGAAA	TAATCCATTCT
HNEDU15X	GTGCACGCAG	GACATCAACA	A..ACACAGA	TAACAGGAAA	TGATCCATTCT
HSLAH84R	ATACTGATAA	GACCTACGCC	ATGGGACATC	TAGTTCAGAG	GAAGAAGGTC
HLTBM08R	GGACTGAAAA	TCTTTGAACC	ACCAGCTCCA	GGAGAAGGCA	ACTCCAGTCA
	101				150
HSOAD55R	CCTGTGGTCA	CTTATTCTAA	AGGCCCCAAC	CTTCAAAGTT	CAAGTAGTGA
HNEDU15X	CCTGTGGTCA	CTTATTCTAA	AGGCCCCAAC	CTTCAAAGTT	CAAGTAGTGA
HSLAH84R	CATGTCTTTG	GGGATGAATT	GAGTCTGGTG	ACTTTGTTTC	GATGTATTCA
HLTBM08R	GAACAGCAGA	AATAAGCGTG	CCGTTCCAGG	TCCAGAAGAA	ACAGTCACTC
	151				200
HSOAD55R	TATGGATGAC	TCCACAGAAA	GGGAGCAGTC	ACGCCTTACT	TCTTGCCTTA
HNEDU15X	TATGGATGAC	TCCACAGAAA	GGGAGCAGTC	ACGCCTTACT	TCTTGCCTTA
HSLAH84R	AAATATGCCT	GAAACACTAC	CCAATAATTC	CTGCTATTCA	GCTGGCATTG
HLTBM08R	AAGACTGCTT	GCAACTGNNT	GCAGACAGTG	AAACACCAAC	TATACAAAAA
	201				250
HSOAD55R	AGAAAAGAGA	AGAAATGAAA	CTGNAAGGAG	TGTGTTTCCA	TCCTCCCACG
HNEDU15X	AGAAAAGAGA	AGAAATGAAA	CT.GAAGGAG	TGTGTTTCCA	TCCTCCCACG
HSLAH84R	CAAACTGGN	AGGAAGGA..	...GATGAAC	TCCAACCTGC	AATACCAGGG
HLTBM08R	GGCTCCCTTC	TGNTGCCACA	TTTGGGCCAA	GGAATGGAGA	GATTTCTTCG
	251				300
HSOAD55R	GAAGGAAAGC	CCCTCTNTCC	GATCCTCCAA	AGACGGAAAG	CTGCTGGCTG
HNEDU15X	GAAGGAAAGC	CCCTCTGTCC	GATCCTCCAA	AGACGGAAAG	CTGCTGGCTG
HSLAH84R	GAAAATGCAC	AATTATCACT	GGGATGGAGA	TGTTACATT	TTTTGGGTGC
HLTBM08R	TCTGGAAACA	TTTTGCCAAA	CTCTTCAGAT	ACTCTTNTCT	CTCTGGGAAT
	301				350
HSOAD55R	CAACCTTGNT	GNTGACATTG	TGTTCTTGCT	GNCTCAAGGT	GGTGTTNTT.
HNEDU15X	CAACCTTGCT	GCTGGCACTG	CTGTCTTGCT	GCCTCACGGT	GGTGCTTTTC
HSLAH84R	CATTGAACT	GCTGTGACCT	NCTTACANCA	NGTGCTGTTN	GCTATTTTNC
HLTBM08R	CAAAGGAAAA	TCTCTACTTA	GATTNACACA	TTTGTTCCCA	TGGGTNTCTT
	351				400
HSOAD55R	.....	.....	.....	.....	.....
HNEDU15X	TACCAGGTGG	CCGCCCTGCA	AGGGGACCTG	GCCAGCCTCC	GGGCAGAGCT
HSLAH84R	CTNCCTNTTG	TNTGGTAACC	TCTTAGGAAG	GAAGGATTCT	TAAGTGGGAA
HLTBM08R	AAGTTTTTAA	AGGGGAGTGC	CCTTAGGAGG	AAAAGGGGAT	AAATATTGGC

FIG.4A

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



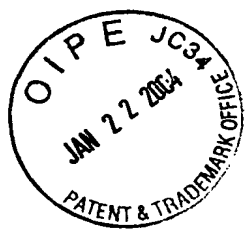
RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



	801		850
HSOAD55R	.....	.....	.....
HNEDU15X	GTCCATGTCT	TTGGGGATGA	ATTGAGTCTG GTGACTTTGT TTCGATGTAT
HSLAH84R	.....	.....	.....
HLTBM08R	.....	.....	.....
	851		900
HSOAD55R	.....	.....	.....
HNEDU15X	TCAAAATATG	CCTGAAACAC	TACCCAATAA TTCCTGCTAT TCAGCTGGCA
HSLAH84R	.....	.....	.....
HLTBM08R	.....	.....	.....
	901		950
HSOAD55R	.....	.....	.....
HNEDU15X	TTGCAAAACT	GGAAGAAGGA	GATGAACTCC AACTTGCAAT ACCAAGAGAA
HSLAH84R	.....	.....	.....
HLTBM08R	.....	.....	.....
	951		1000
HSOAD55R	.....	.....	.....
HNEDU15X	AATGCACAAA	TATCACTGGA	TGGAGATGTC ACATTTTTTG GTGCATTGAA
HSLAH84R	.....	.....	.....
HLTBM08R	.....	.....	.....
	1001		1050
HSOAD55R	.....	.....	.....
HNEDU15X	ACTGCTGTGA	CCTACTTACA	CCATGTCTGT AGCTATTTTC CTCCCTTTCT
HSLAH84R	.....	.....	.....
HLTBM08R	.....	.....	.....
	1051		1100
HSOAD55R	.....	.....	.....
HNEDU15X	CTGTACCTCT	AAGAAGAAAG	AATCTAACTG AAAATACCAA AAAAAAAAAA
HSLAH84R	.....	.....	.....
HLTBM08R	.....	.....	.....
	1101		
HSOAD55R	.....		
HNEDU15X	AAAAAA		
HSLAH84R	.....		
HLTBM08R	.....		

FIG.4C

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



Neutrokin- $\alpha$ SV

1 ATGGATGACTCCACAGAAAGGGAGCAGTCACGCCTTACTTCTTGCCTTAAGAAAAGAGAA 60  
1 M D D S T E R E Q S R L T S C L K K R E 20

61 GAAATGAAACTGAAGGAGTGTGTTTCCATCCTCCCACGGAAGGAAAGCCCTCTGTCCGA 120  
21 E M K L K E C V S I L P R K E S P S V R 40  
CD-I

121 TCCTCAAAGACGGAAAGCTGCTGGCTGCAACCTTGCTGCTGGCACTGCTGTCTTGCTGC 180  
41 S S K D G K L L A A T L L L A L L S C C 60  
CD-I

181 CTCACGGTGGTGTCTTTCTACCAGGTGGCCGCCCTGCAAGGGGACCTGGCCAGCCTCCGG 240  
61 L T V V S F Y Q V A A L Q G D L A S L R 80  
CD-II

241 GCAGAGCTGCAGGGCCACCACGCGGAGAAGCTGCCAGCAGGAGCAGGAGCCCCAAGGCC 300  
81 A E L Q G H H A E K L P A G A G A P K A 100  
CD-II CD-III

301 GGCCTGGAGGAAGCTCCAGCTGTCACCGCGGGACTGAAAATCTTTGAACCACCAGCTCCA 360  
101 G L E E A P A V T A G L K I F E P P A P 120  
CD-III

#

361 GGAGAAGGCAACTCCAGTCAGAACAGCAGAAATAAGCGTGCCGTTCAAGGTCCAGAAGAA 420  
121 G E G N S S Q N S R N K R A V Q G P E E 140

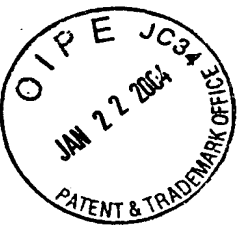
421 ACAGGATCTTACACATTTGTTCCATGGCTTCTCAGCTTTAAAAGGGGAAGTGCCCTAGAA 480  
141 T G S Y T F V P W L L S F K R G S A L E 160  
CD-IV

481 GAAAAAGAGAATAAAATATTGGTCAAAGAACTGGTTACTTTTTTATATATGGTCAGGTT 540  
161 E K E N K I L V K E T G Y F F I Y G Q V 180  
CD-IV CD-V

541 TTATATACTGATAAGACCTACGCCATGGGACATCTAATTCAGAGGAAGAAGGTCCATGTC 600  
181 L Y T D K T Y A M G H L I Q R K K V H V 200  
CD-VI CD-VII

FIG.5A

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



Neutrokin-αSV

601 TTTGGGGATGAATTGAGTCTGGTGACTTTGTTTCGATGTATTCAAATATGCCTGAAACA 660  
201 F G D E L S L V T L F R C I Q N M P E T 220  
CD-VIII CD-VIII

661 CTACCCAATAATTCCTGCTATTTCAGCTGGCATTGCAAACTGGAAGAAGGAGATGAACTC 720  
221 L P N N S C Y S A G I A K L E E G D E L 240  
CD-IX CD-X

721 CAACTTGCAATACCAAGAGAAAATGCACAAATATCACTGGATGGAGATGTCACATTTTTT 780  
241 Q L A I P R E N A Q I S L D G D V T F F 260  
CD-X CD-XI

781 GGTGCATTGAAACTGCTGTGACCTACTTACACCATGTCTGTAGCTATTTTCCTCCCTTTC 840  
261 G A L K L L 266  
CD-XI

841 TCTGTACCTCTAAGAAGAAAGAATCTAACTGAAAATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA 900

901 AAA 903

FIG.5B

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900

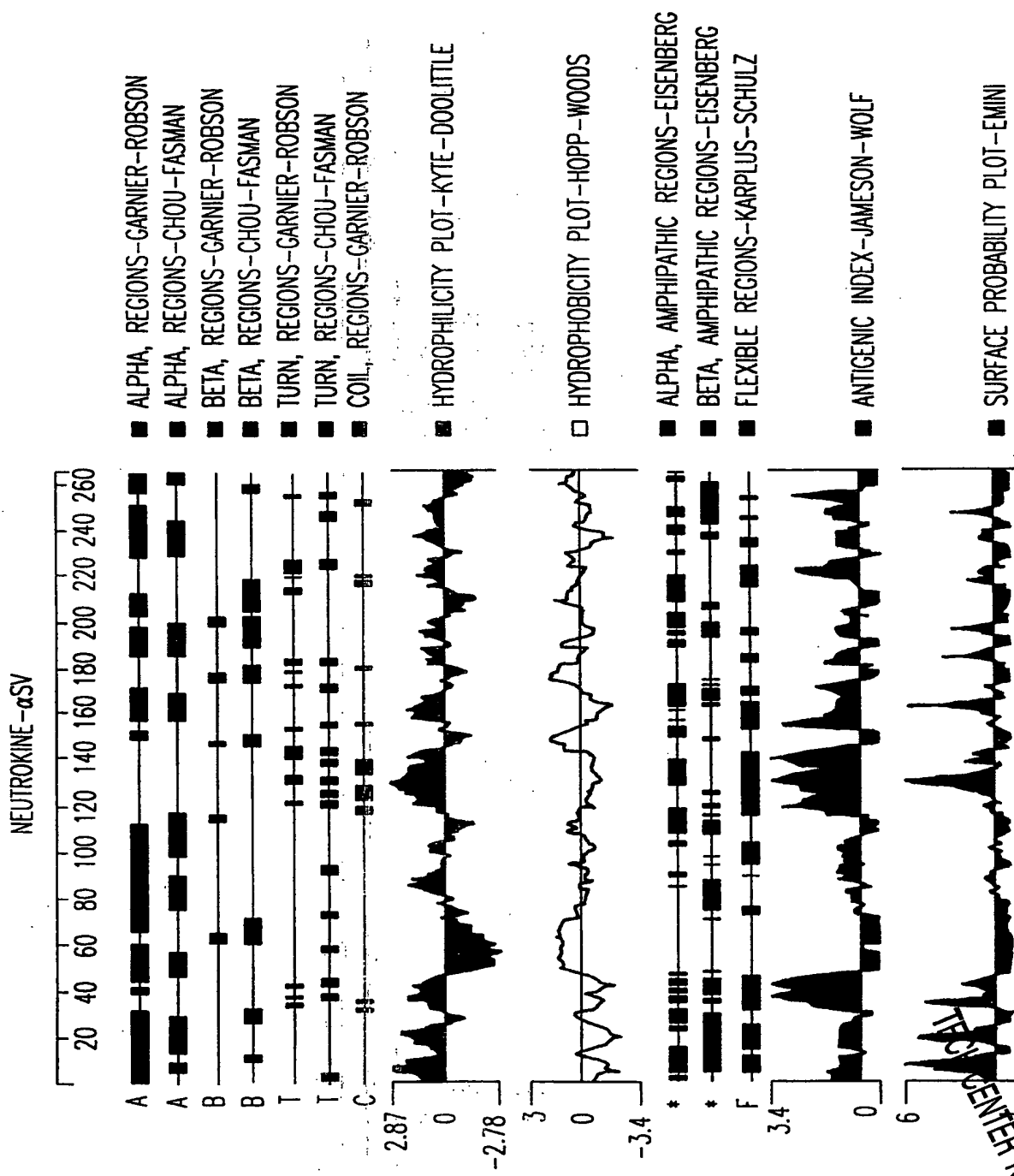
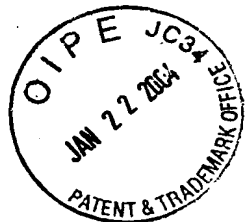


FIG.6

RECEIVED  
JAN 26 2004  
CENTER 1600/2900

Neutrokin-

Alpha MDDSTEREQSRLTSCCLKKREEMKLEKCVSILPRKESPSVRS 41

Transmembrane Region

SKDGKLLAATLLALLSCCLTVVSYQVAALQGDLASLRAE 82

LQGHHAELPAGAGAPKAGLEEA PAVTAGLKIFEPAPGEG 123



A

NSSQNSRNKRAVQGPEETVTQDCQLQLIADSEITPTIQKGSYI 164  
Apr11 HSVLHLLVPINATSK-DDSDVT 134  
TNF KPVAAHVVAANPQAEGQ----- 102  
LTα KPAAHLIGDPSKQNS----- 76

C

B

B'

A'

FVFWLWLS-- --FKRGSAL EEEKENKI L V K E T G Y F F I Y G Q V L 200  
EVMWQPPA-- --LRRGRGLQAQGYGVRIQDAGVYLLYSQVVL 170  
-LQWLNRRANALLANGVELRD--NQQLVVPSEGLYLIYSQVVL 139  
-LLWRANTDRALFLQDGFSLSN--NSLLVPTSGIYFVYSQVV 114

D

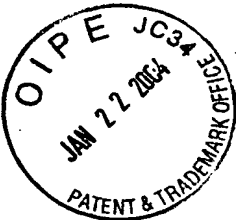
E

YTDKTY-- --AMGHLIQRKKKVHVFGDELSLVTLFRCIQNMP 237  
FQDVTF-- --TMGQVVSRE-- --GQGRQETTLFRCIRSMMP 201  
FKGQGCCP-- --STHVLTLTISRIVSVYQTKVNLLSAIKSP 176  
FVSGKAYSPKATSSP LYLAEHEVQLFSSQYPFHVPLLSQKMV 155

FIG.7A-1

JAN 26 2004

RECEIVED





Neutrokin-

Alpha MDDSTEREQSRLTSCCLKREEMKKECVSILPRKESPSVRS 41

Transmembrane Region

SKDGKLLAATLLALLSCCLTVVSFYQVAALQGDLASLRAE 82

LQGHHA EKLPAGAGAPKAGLEEAPAVTAGLKIFEPPAPGEG 123

↓  
NSSQNSRNKRAVQGPEETVTQDCQLQLIADSEPTIQKGSY 164  
April HSVLHLVPIINATSK-DDSDVT 134  
TNF KPVAVHVVANPQAEQG- - - - 102  
LT α KPAAHLIGDPPSKQNS- - - - 76

A' B' B C D E  
FV P W L L S - - - - F K R G S A L E E K E N K I L V K E T G Y F F I Y G Q V L 200  
E V M W Q P A - - - - L R R G R G L Q A Q G Y G V R I Q D A G V Y L L Y S Q V L 170  
- L Q W L N R R A N A L L A N G V E L R D - - N Q L V V P S E G L Y L I Y S Q V L 139  
- L L W R A N T D R A F L Q D G F S L S N - - N S L V P T S G I Y F V Y S Q V V 114  
Y T D K T Y - - - - A M G H L I Q R K K V H V F G D E L S L V T L F R C I Q N M P 237  
F Q D V I F - - - - T M G Q V V S R E - - - - G Q G R Q E T L F R C I R S M P 201  
F K G Q G C P - - - - S T H V L L T H I S R I A V S V Q T K V N L L S A I K S P 176  
F S G K A V S P K A I S S P L Y L A H E V Q L F S S Q V P F H V P L L S S Q K M V 155

FIG.7A-1

TECH CENTER 1600/2900  
JAN 26 2004  
RECEIVED



Neutrokine-

Alpha MDDSTEREQSRLTSCCLKKREEMKLEKCVSILPRKESPSVRS 41

Transmembrane Region

SKDGKLLAATLLALLSCCLTVVSFYQVAALQGDLASLRAE 82

LQGHHAELPAGAGAPKAGLEEAPAVTAGLKIFEPAPGEG 123

A

NSSQNSRNKRAVQGPETVTQDCQLQLIADSEITPTIQKGSY 164  
April HSLHLVPIINATTSK-DDSDVT 134  
TNF KPVAAHVVANPQAEQG- - - - - 102  
LT α KPAAHLIGDPSKQNS- - - - - 76

C

B

B'

A'

FVPMLLS- - - - - FKRGSALEEEKENKI L VKETGYFFIYGGQVL 200  
EVMWQPA- - - - - LRRGRGLQAQGYGVRIQDDAGVYLLYSQVL 170  
- LQWLNRRANALLANGVELRD- - - NQLVVPSEGLYLIYSQVL 139  
- LLLWRANTDRALLQDGFSLSN- - - N SLLVPTSGIYFVYSQVV 114

D

E

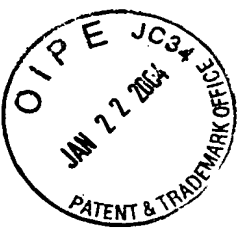
YTDKTY- - - - - AMGHLIQRKKVHVFGDELSLVTLFRCIQNMP 237  
FQDVTTF- - - - - TMGQVVSRE- - - - - GQGRQETTLFRCIRSMMP 201  
- LKGGQGCPC- - - - - STHVLTLTHISRIVSVYQTKVNLLSAIKSP 176  
- SGGKAVSPKATSSPLLALHEVQLFSSQYPFHVPLLSSQKMV 155

FIG.7A-1

RECEIVED

RESEARCH CENTER 1600/2900 JAN 26 2004





F										G										H																								
E	-	-	T	L	P	-	-	-	-	-	N	N	S	C	Y	S	A	G	I	A	K	L	E	E	G	D	E	L	Q	L	A	I	P	R	E	N	A	268						
S	H	P	D	R	A	-	-	-	-	-	Y	N	S	C	Y	S	A	G	V	F	H	L	H	Q	Q	D	I	L	S	V	I	I	P	R	A	R	A	234						
C	Q	R	E	T	P	E	G	A	E	A	K	P	W	Y	E	P	I	Y	L	G	G	V	F	Q	L	E	K	G	D	R	L	S	A	E	I	N	R	P	D	Y	217			
Y	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	G	L	Q	E	P	W	L	H	S	M	Y	H	G	A	A	F	Q	L	T	Q	G	D	Q	L	S	T	H	T	D	G	I	P	H	190
H																																												
Q	I	S	L	D	G	D	V	T	F	F	G	A	L	K	L	L																					285							
K	L	N	L	S	P	H	G	T	F	L	G	F	V	K	L	L																					250							
L	D	F	A	E	S	G	Q	V	Y	F	G	I	I	A	L	L																					233							
L	V	L	S	-	P	S	T	V	F	F	G	A	F	A	L	L																					205							

FIG.7A-2

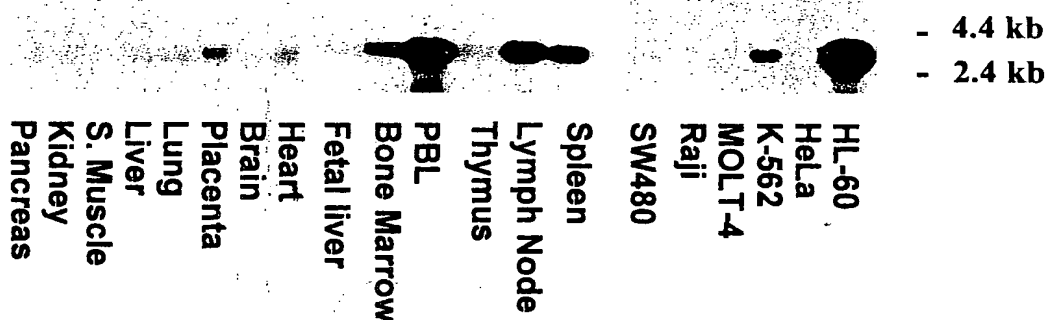
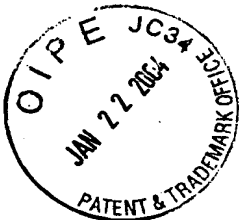


FIG. 7B

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900

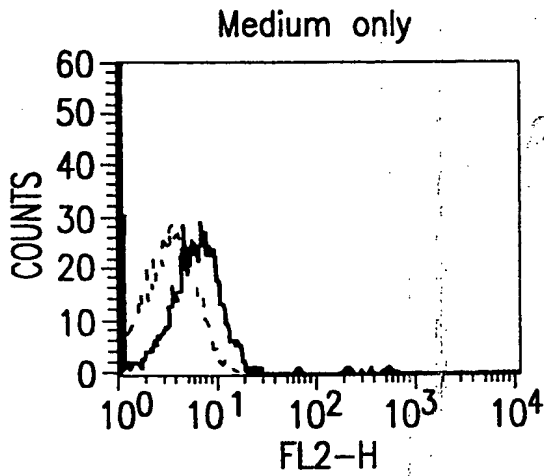
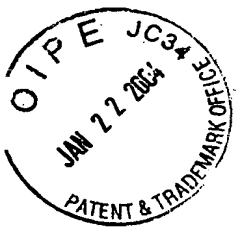


FIG.8A

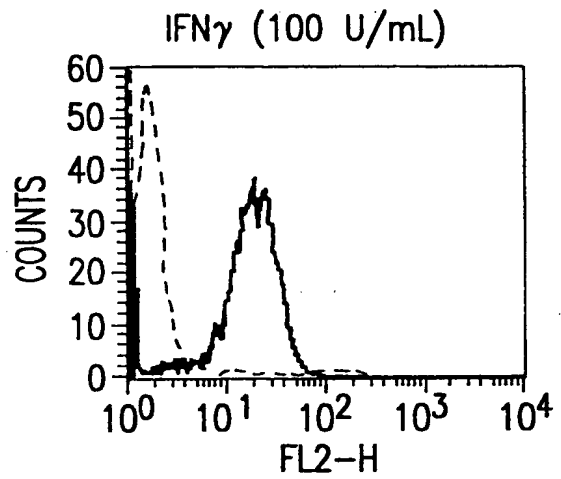


FIG.8B

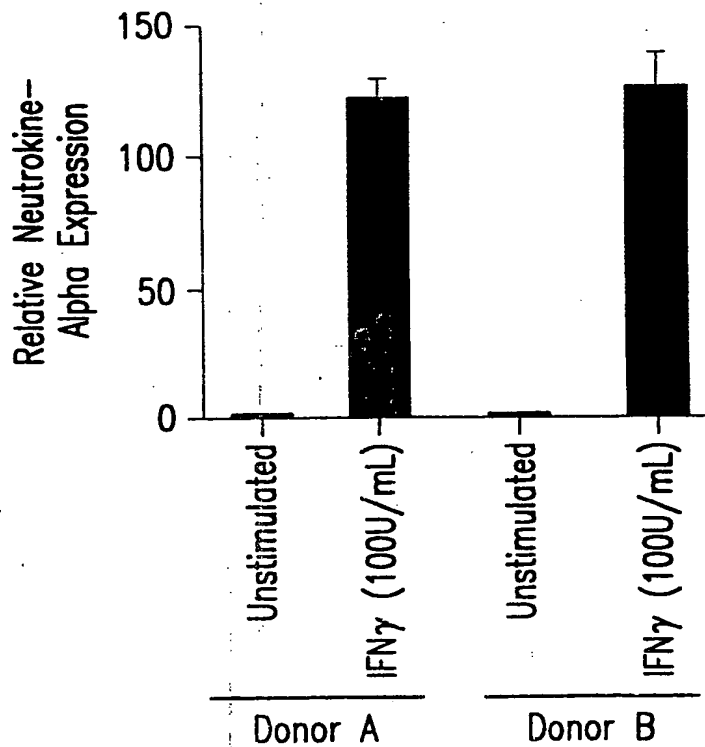


FIG.8C

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900

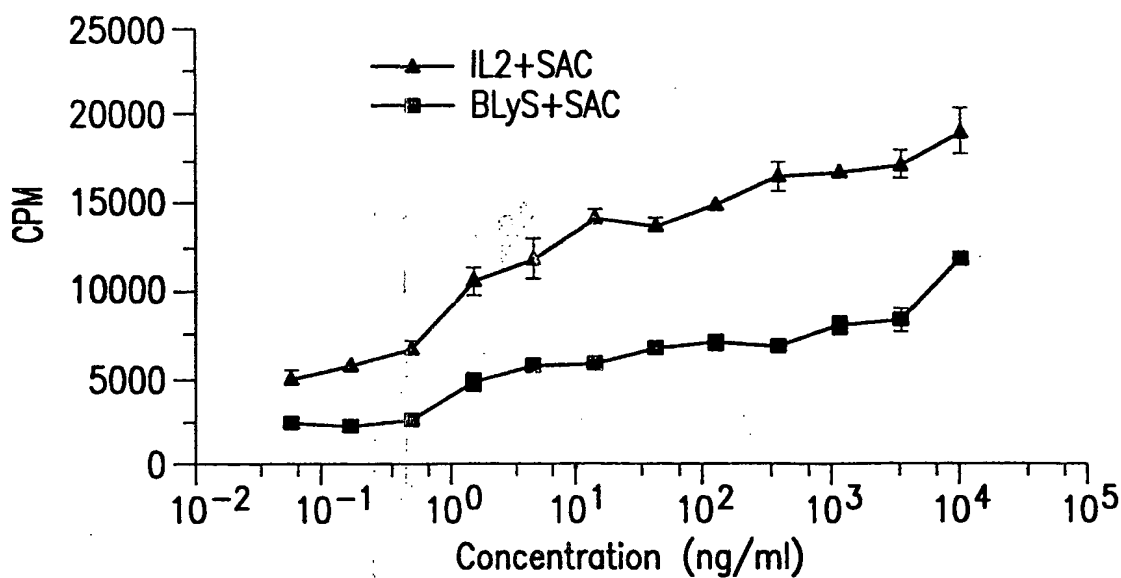


FIG. 9A

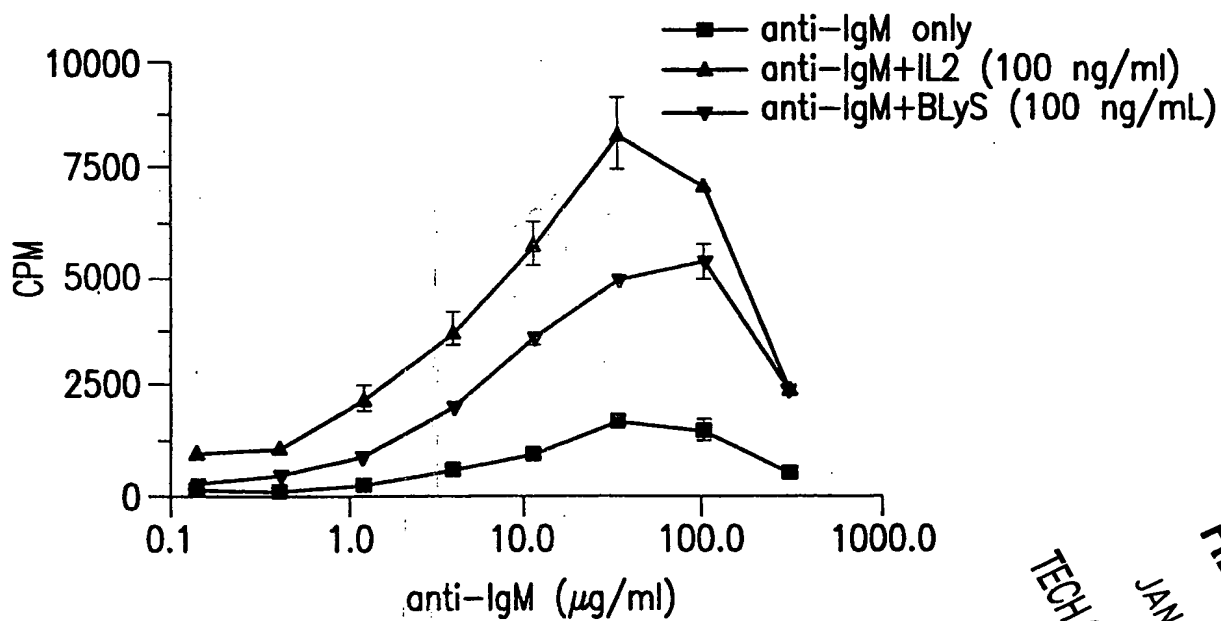


FIG. 9B

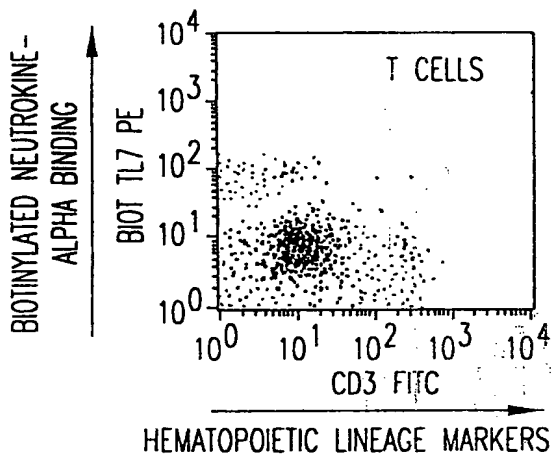
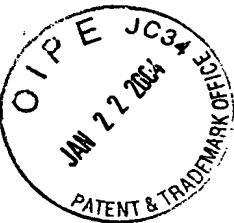


FIG.10A

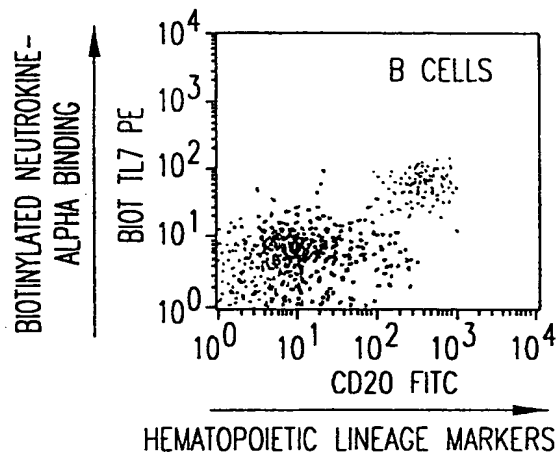


FIG.10B

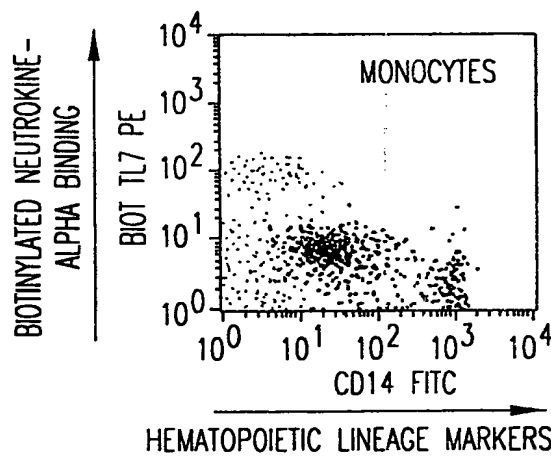


FIG.10C

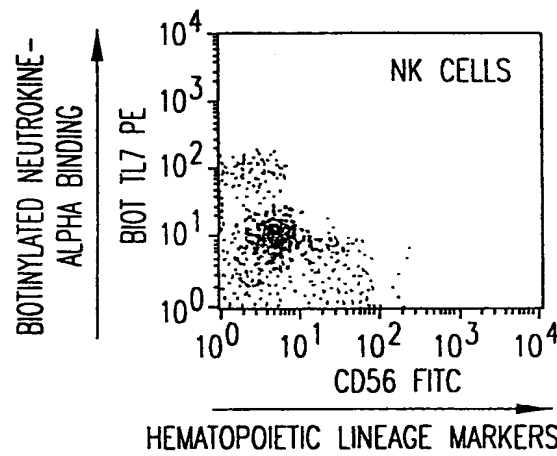


FIG.10D

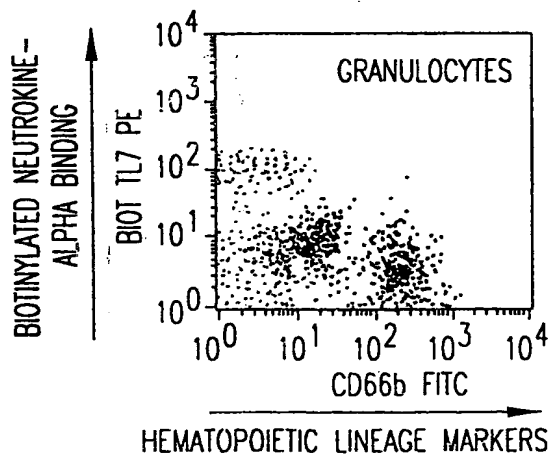


FIG.10E

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900

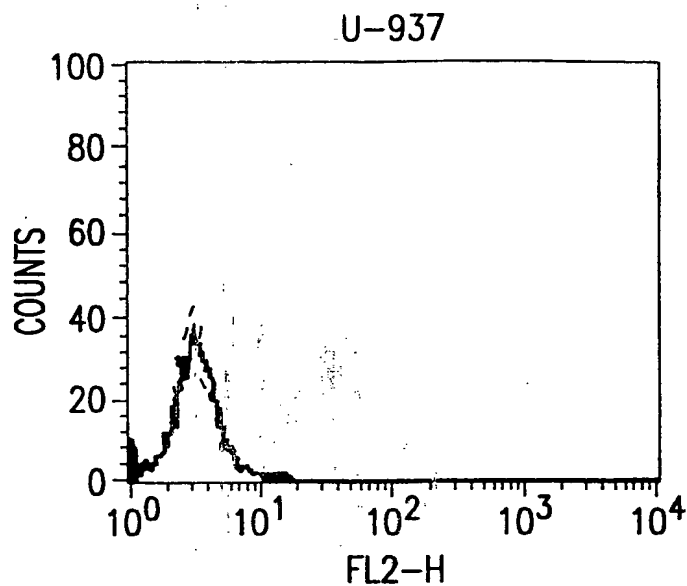
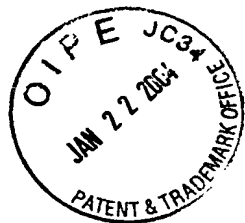


FIG.10F

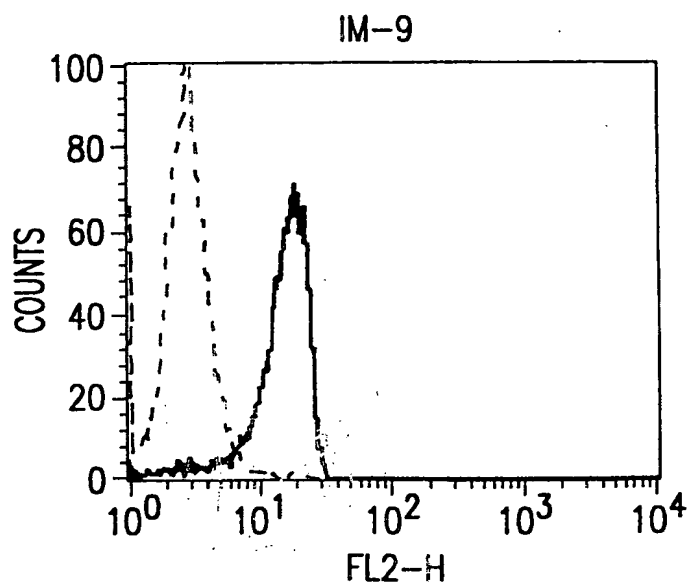
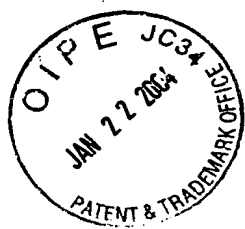


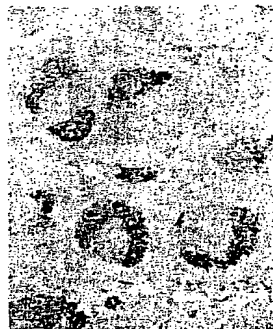
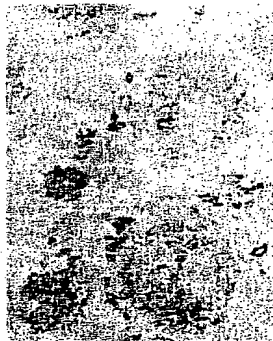
FIG.10G

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900



Neutrokinine - alpha  
treated spleen  
(2mg/Kg) bid 4d

Normal spleen



H & E (100X)

CD45R(B220)  
(40X)

FIG.11A

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900

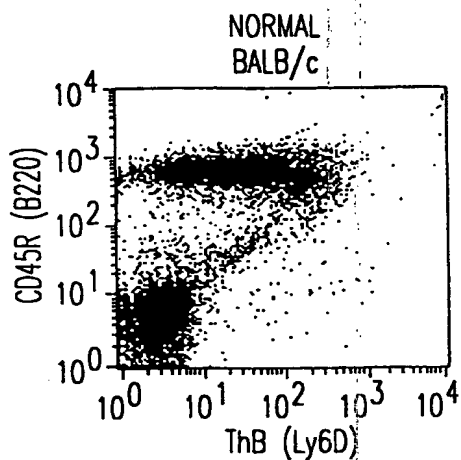


FIG. 11B

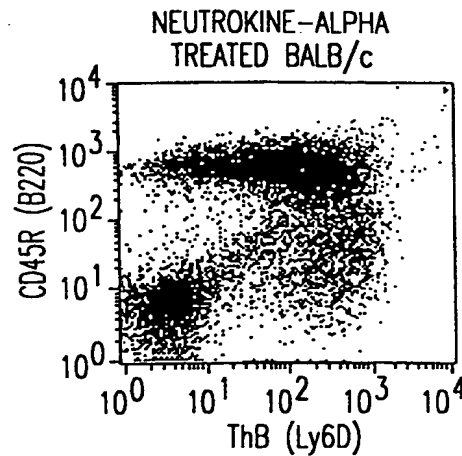


FIG. 11C

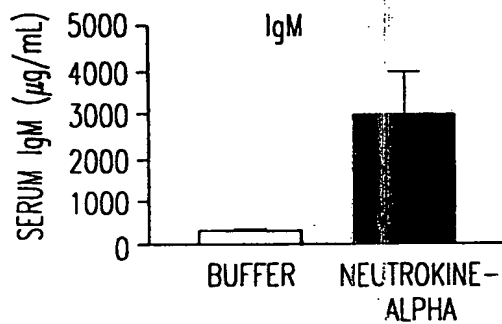


FIG. 11D

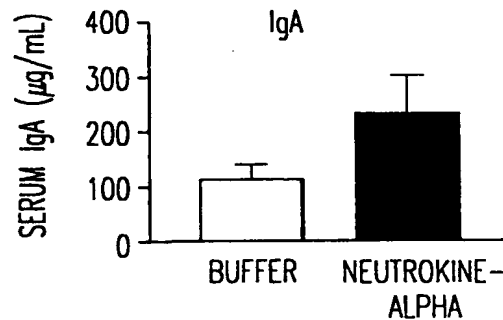


FIG. 11E

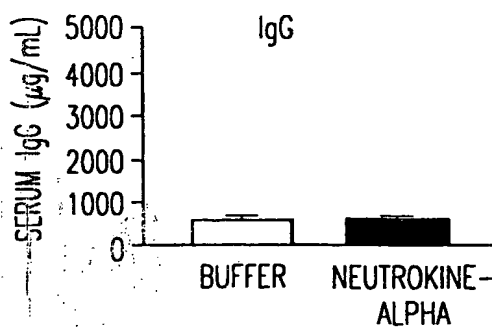


FIG. 11F

RECEIVED  
JAN 26 2004  
TECH CENTER 1600/2900